

## Załącznik 1:

**Wizytówka naukowa kandydata na promotora**  
maksymalnie 2 strony – powinna to być synteza najważniejszych elementów dorobku

Imię i Nazwisko, stopień, tytuł naukowy	
Dyscyplina naukowa/dyscypliny naukowe	Nauki biologiczne
Rozwój zawodowy (stopnie i tytuły naukowe) chronologicznie	magistra – 1992 doktora – 1995 doktor habilitowany nauk biologicznych w zakresie biologii, specjalność: biotechnologia –2006 profesora nauk biologicznych - 2017
Najważniejsze publikacje/patenty/ z ostatnich 3 lat (maksymalnie 10)	<p>Pawełkowicz, M. E., Skarzyńska, A., Mróz, T., Bystrzycki, E., &amp; <b>Pląder</b>, W. (2021). Molecular insight into somaclonal variation phenomena from transcriptome profiling of cucumber (<i>Cucumis sativus</i> L.) lines. <i>Plant Cell, Tissue and Organ Culture (PCTOC)</i>, 145, 235-259..</p> <p>Merheb, J., Pawełkowicz, M., Branca, F., Bolibok-Bragoszewska, H., Skarzyńska, A., <b>Pląder</b>, W., &amp; Chalak, L. (2020). Characterization of Lebanese Germplasm of Snake Melon (<i>Cucumis melo</i> subsp. <i>melo</i> var. <i>flexuosus</i>) Using Morphological Traits and SSR Markers. <i>Agronomy</i>, 10(9), 1293.</p> <p>Skarzyńska, A., Pawełkowicz, M., &amp; <b>Pląder</b>, W. (2020). Genome-wide discovery of DNA variants in cucumber somaclonal lines. <i>Gene</i>, 736, 144412.</p> <p>Pawełkowicz, M. E., Skarzyńska, A., Sroka, M., Szwacka, M., Pniewski, T., &amp; <b>Pląder</b>, W. (2020). Effect of Transgenesis on mRNA and miRNA Profiles in Cucumber Fruits Expressing Thaumatin II. <i>Genes</i>, 11(3), 334.</p> <p>Osipowski, P., Pawełkowicz, M., Wojcieszek, M., Skarzyńska, A., Przybecki, Z., &amp; <b>Pląder</b>, W. (2020). A high-quality cucumber genome assembly enhances computational comparative genomics. <i>Molecular Genetics and Genomics</i>, 295(1), 177-193.</p> <p>Genetic and molecular bases of cucumber (<i>Cucumis sativus</i> L.) sex determination. 2019. ME Pawełkowicz, A Skarzyńska, W <b>Pląder</b>, Z Przybecki. <i>Molecular Breeding</i> 39 (3), 50</p> <p>Comparative transcriptome analysis reveals new molecular pathways for cucumber genes related to sex determination. 2019. M Pawełkowicz, L Pryszcz, A Skarzyńska, RK Wóycicki, K Posyniak, Jacek Rymuszka, Zbigniew Przybecki, Wojciech <b>Pląder</b>. <i>Plant reproduction</i>, 1-24</p>
Doświadczenie w pracy z doktorantami (obronione doktoraty, otwarte przewody), chronologicznie	Magdalena Guzowska – 2011 – obroniona Kohei Yagi – 2015 – obroniona Paweł Osipowski – 2019 obroniona

	<p>Agnieszka Skarzyńska – w trakcie</p> <p>Michał Wojcieszek – w trakcie</p>
<p>Dorobek projektowy/grantowy (z ostatnich 10 lat)</p>	<p>1. Grant zamawiany MNiSW – umowa nr PBZ-MNiSW-2/3/2006 pt. „Mikromacierz do analizy profili transkrypcyjnych chloroplastów ogórka i jej zastosowanie do określania reakcji na działanie czynników stresowych.” <b>kierownik</b> – lata 2007-2010 zakończony</p> <p>2. Narodowe Centrum Nauki, numer umowy: 0831/B/P01/2010/39 "Rekonstrukcja molekularnej struktury genomu ogórka (Cucumis sativus L.)." wykonawca – lata 2010 - 2013</p> <p>3. Narodowe Centrum Nauki, numer decyzji: UMO-2011/01/B/NZ2/01631 „Analiza transkryptomów ogórka w rozwiązaniu zagadnienia determinacji płci roślin” wykonawca 2011 - 2014</p> <p>4. Narodowe Centrum Nauki, numer decyzji: DEC-2011/03/B/NZ2/02480 „Eksploracja regionów bogatych w geny u gatunku o dużym genomie (Secale cereale L.) z wykorzystaniem markerów DArT”. wykonawca 2012 – 2015</p> <p>5. Projekt nr 2013/11/B/NZ9/00814 „Genomiczne i transkryptomiczne konsekwencje różnych metod generowania zmienności u ogórka”. Dr hab. Wojciech Plader, prof. SGGW Kwota 1 240 227 PLN. 11.09.2014 – 10.09.2017. Umowa nr UMO-2013/11/B/NZ9/00814 <b>Kierownik</b> 2014 – 2017 zakończony</p> <p>6. Projekt nr „Integracja danych multi-omicznych ogórka w celu identyfikacji mechanizmów determinacji płci i ich uwarunkowań klimatycznych” DEC-2020/37/B/NZ9/00586 Kwota 1 779 300 PLN, umowa nr UMO-2020/37/B/NZ6/00457, wykonawca 2019-2024</p>
<p>Zakres tematyczny – problem badawczy – do rozwiązania którego poszukuje się doktoranta</p>	<p>1. Identyfikacja miRNA i cząsteczek docelowych w powiązaniu z determinacją płci u ogórka.</p> <p>2. Multiomiczna analiza interakcji molekularnych biorących udział w determinacji płci ogórka.</p>
<p>Podstawowe oczekiwania wobec kandydata na doktoranta</p>	<p>1. Znajomość podstaw bioinformatyki, w szczególności w zakresie analiz NGS, struktur danych -doświadczenie w pracy w programie Excel i zarządzaniu dużymi plikami danych - znajomość podstaw statystyki - wiedzy z zakresu biologii molekularnej, transkryptomiki, i miRNA,</p> <p>2. Znajomość podstaw biotechnologii, biologii molekularnej, w szczególności w zakresie hodowli drożdży, doświadczenie w pracy w programie Excel i zarządzaniu dużymi plikami danych - znajomość podstaw bioinformatyki i statystyki - znajomość podstaw interakcji molekularnych - umiejętność pracy indywidualnej i w zespole.</p>
<p><u>Dane kontaktowe:</u> Wydział/Instytut Adres e-mail Telefon</p>	<p>Instytut Biologii Wojciech_plader@sggw.edu.pl 59-321-75</p>